



VII Congreso Uruguayo de Zoología

“Dámaso Antonio Larrañaga”



Montevideo

3 al 8 de Diciembre de 2023



Simposios



Simposio 4

Códigos de Barra de la Vida: aportes a la zoología y ecología del Uruguay.

BIODIVERSIDAD EN URUGUAY: APORTES A LAS BASES DE DATOS DE CÓDIGOS DE BARRA DE LA VIDA DE ESPECIES NATIVAS

Capurro, L.⁽¹⁾; Giambiasi, M.⁽²⁾; Montes de Oca, L.^(3,4); Elizondo-Patrone, C.⁽⁵⁾; Mailhos, A.⁽⁶⁾; Rigamonti, N.⁽⁷⁾; Vettorazzi, R.⁽⁸⁾ & GTCBV-U⁽⁹⁾

(1) Fac.Ciencias lcapurro@fcien.edu.uy

(2) INIA

(3) IIBCE-MEC

(4) Lincoln University-NZ

(5) DINABISE-MA

(6) Fac.Agronomía

(7) LATU

(8) MNHN-MEC

(9) <https://www.gub.uy/usina-codigos-barra-vida-uruguay>

En marzo de 2023, un grupo multidisciplinario de investigadores comprometido con la investigación y conservación de la biodiversidad de nuestro país visitó el “Center for Biodiversity Genomics” (University of Guelph, Ontario, Canadá). Los 7 participantes representaron a las Facultades de Ciencias y Agronomía (Universidad de la República), al Instituto de Investigaciones Biológicas Clemente Estable, y al Museo Nacional de Historia Natural (Ministerio de Educación y Cultura). Además, se sumaron expertos de la Dirección Nacional de Biodiversidad y Servicios Ecosistémicos (Ministerio de Ambiente), Laboratorio Tecnológico del Uruguay, e Instituto Nacional de Investigación Agropecuaria. Este viaje no solo simboliza un pequeño pero significativo paso en la exploración de la biodiversidad nacional, sino también representa una colaboración y voto de confianza de 47 investigadores nacionales. Se enviaron para ser procesados más de 1500 especímenes, abarcando 500 especies. Luego, mediante la secuenciación de alto rendimiento Minlon (Oxford Nanopore), se secuenciaron los genes citocromo c oxidasa I (COI) en animales y espacio inter transcripcional I (ITS) para plantas y hongos. Se alcanzaron tasas de éxito de entre el 60% y el 70% de las muestras dependiendo del origen de las muestras, ampliando el conocimiento de la flora y fauna nativa. Incluso, para algunas especies se generaron los primeros datos genómicos. Las secuencias obtenidas se incorporaron a la base de datos BOLD Systems, aportando al objetivo general de esta plataforma y al conocimiento de la biodiversidad mundial. Este esfuerzo promueve la valoración y el conocimiento de la biodiversidad específica y genética de Uruguay.