



p36 Detección y análisis de virus presentes en cultivos de *Solanum tuberosum* en Uruguay.

Vignale, L.¹; Dubra, A.¹; Agorio, A. ¹; Rodríguez, G.²; González, M.²; Gómez, M.M.¹

¹ Departamento de Biología Molecular, Instituto de Investigaciones Biológicas Clemente Estable - IIBCE, Montevideo, Uruguay.

² Instituto Nacional de Investigación Agropecuaria - INIA
luvignalee@gmail.com

Los virus son considerados en el mundo un factor limitante clave en la producción de papa (*Solanum tuberosum*). Más de 50 virus infectan a esta planta, destacándose: virus Y de la papa (PVY), virus del enrollado de la hoja de la papa (PLRV), virus del mosaico de la alfalfa (AMV), virus del mosaico aucuba de la papa (PAMV), virus mop-top de la papa (PMTV), virus A de la papa (PVA), virus M de la papa (PVM), virus S de la papa (PVS), virus X de la papa (PVX) y el virus del rattle del tabaco (TRV), entre otros. Generalmente, la presencia de virus en las plantaciones de papa se detecta mediante análisis visual. Sin embargo, los síntomas causados por virus en el cultivo pueden variar por diversos factores, intrínsecos y extrínsecos al virus, lo que torna muy difícil ese tipo de análisis. Para el control de lotes semilla (nacional o internacional) se realizan test serológicos, para PVY, PLRV, PVS y PVX. Cabe destacar que la sensibilidad de los métodos serológicos es menor a la de los métodos moleculares. En este estudio se puso a punto una RT-Multiplex-PCR para detectar los 10 virus previamente mencionados a partir de hojas de papa. Como control positivo se diseñó gBlocks conteniendo las regiones a amplificar. Los cebadores utilizados fueron obtenidos de la bibliografía o diseñados para este trabajo. Se analizaron 47 muestras, con y sin síntomas, colectadas durante 2020-2021 en plantaciones de papas de diversos departamentos. En estas se detectó la presencia de cuatro virus: PVY, PLRV, PVS y AMV, a los cuales se les amplificó y secuenció el genoma. El análisis de las secuencias permitirá identificar genotipos de estos virus que circulan en nuestro país y servirán de base para futuros estudios epidemiológicos.

Financiamiento: Fondo Vaz Ferreira, convocatoria 2019, DICYT-MEC - Proyecto: II/FVF2019